

EXPOSANITA' 2016
Bologna, Quartiere Fieristico
Sala Verdi –pad. 25 corsia C
Mercoledì 18 Maggio 2016

Il sequenziamento di nuova generazione nella sanità veterinaria, tecnologie e applicazioni

Programma

- | | |
|-------------|--|
| 9:00-9:15 | Saluto e introduzione
IZSLER - SIDiLV |
| 9:15-9:30 | Presentazione del Comitato Tecnico per la Genomica in Sanità pubblica
Stefano Morabito ISS |
| 9:30-10:10 | La genomica per la sicurezza alimentare e la sanità animale
Stefano Pongolini IZSLER |
| 10:10-10:30 | Tracing back di casi umani da cloni emergenti di major pathogens lungo le filiere zootecniche: l'esempio di Salmonella Infantis – PatriciaAlba IZSLT |
| 10:30-10:50 | Impatto della dieta sulla comunità microbica intestinale e sulla sua resistenza agli antibiotici - Carmen Losasso IZSVe |
| 10:50-11:10 | Oltre la sequenza consenso: ricostruzione delle dinamiche evolutive del virus dell'influenza aviaria mediante approccio ultra-deep sequencing
Isabella Monne IZSVe |
| 11:10-11:30 | Coffee break |
| 11:30-11:50 | Analisi di microbiota e miRNoma di ectoparassiti ematofagi da uccelli migratori mediante massive parallel sequencing
Francesco Cerutti - Peletto Simone IZSPLVA |
| 11:50-12:10 | E. coli patogeni: Caratterizzazione degli isolati mediante whole genome sequencing – Valeria Michelacci ISS |
| 12:10-12:30 | Analisi genomica comparativa di Listeria monocytogenes nel corso di un focolaio Cesare Cammà – Massimiliano Orsini IZSAM |
| 12:30-13:00 | Discussione e conclusioni |